

>ATCC protozoology- ATCC 50669 - A. sp. 16 Strain: RB-89-3-MX

CCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAAGATTAAGCCATGCATGTCT
AAGTATAAGCTTGTTTATACGGCGAGACTGCGGATGGCTCATTAAATCAGTTATAGT
TTATTTGATGGTCTCTTTAATTTCTTTTACCTACTTGGATAACCGTGGTAATTCTAGA
GCTAATACATGCGCAAGGTCCCAAGCGCGGAGAGTAGGGCTTCACGGCTTTATTCTT
GCATGCGCAGAGGGATGTATTTATTAGGTAAACAACCAGCATTTTCAATCATCTGG
TGATTCATAGTAACTCTTTCGGATCGCATTTCATGCCCTCCTTGTGGGGGGCGGCGACG
ATTCATTCAAATTTCTGCCCTATCAACTTTCGATGGTAGGATAGAGGCCTACCATGGT
CGTAACGGGTAAACGGAGAATTAGGGTTCGATTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATGG
CTACCCTTCTAAGGAAGGCAGCAGGCGCGCAAATTACCCAATCCCGACACGGGGA
GGTAGTGACAATAAATAACAATACAGGCGCTCGATAAGAGTCTTGTAATTGGAATA
AGTACAATTTAAACCCCTTAACGAGTAACAATTGGAGGGCAAGTCTGGTGCCAGCA
GCCGCGTAATTCCAGCTCCAATAGCGTATATTAAGTTGTTGCAGTAAAAAGCTC
GTAGTTGGATCTAGGGATGCGCATTATATTTTATATAAACATTTGTATCGTTGGGTC
AAACTGACGATTGCAGGTGTTGCGGGCTCGGTCCGTTGATCATCCCACAAGGGTGGT
TAGCGTGTTAACCGGCCCGCCATCCCCTCCTTCTGGATTCCCGTTCCTGCTATTGAG
TTAGTGGGGACGTCACAGGGAATTTATCATCGTCTTCACGGACGGTGGTAAGTTCCT
GGGGCCAGATCGTTTACCGTGAAAAAATTAGAGTGTTCAAAGCAGGCAGATTCAA
TTTTCTGCCACCGAATACATTAGCATGGGATAATGGAATAGGACCCTGTCCTCCTTTT
TTCAGTTGGTTAATTCATGAGAGAGGAACAGGGTAATGATTAATAGGGATAGTTGG
GGGCATTAATATTTAATTGTCAGAGGTGAAATTCTTGGATTTATGAAAGATTAACTT
CTGCGAAAGCATCTGCCAAGGATGTTTTCAATTAATCAAGAACGAAAGTTAGGGGATC
GAAGACGATCAGATACCGTCGTAGTCTTAACCATAAACGATGCCGACCAGCGATTA
GGAGACGTTGAATACAAAACACCTCTATATACAATTCAGTATATGGCTTCACGGCTG
TGTATTGTTTGTGTATAGTTACGGTGAATGACTCCCCTAGCAGCTTGTGAGAAATCAT
AAGTCTTTGGGTTCCGGGGGGAGTATGGTCGCAAGGCTGAAACTTAAAGGAATTGA
CGGAAGGGCACACCAGGAGTGGAGCCTGCGGCTTAATTTGACTCAACACGGGGAA
ACTTACCAGGTCCGGACATAGTAAGGATTGACAGATTGATAGCTCTTTCTTGATTCT
ATGGGTGGTGGTGCATGGCCGTTCTTAGTTGGTGGAGTGATTTGTCTGGTTAATTCCG
TTAACGAACGAGACCTTAACCTGCTAAATATGCCGCGCTAACTCGTCCATCAAACCT
TATGTGTGACTCACGCGGTTCACTGCAAAGTAGTGTGTCAGTCAAATGGTGATGTT
ACTTTGCCGGTAGGGCCCGGGTTCATATAAGCGGTAGAGTTCGGCGTCTGTGCTTCT
TAGAGGGACTGCTGCGCGCCTAGCCAGCGGAAGTTTGAGGCAATAACAGGTCTGTG
ATGCCCTTAGATGTTCTGGGCCGACGCGCGCTACACTGATTAATCCAACGAGTCCG
CTCAATCAAGGCGTAATTTATGTGGGGTCAAACCTATGTAAGTTGCTGTCCATGAT
CGCGCCTGGGCCGATAGGTCCGGGTAATCTTTGCAAATTAATCGTGCTGGGGATAG
ATCATTGTAATTATTGATCTTCAACGAGGAATTCCTAGTAAGCGCGAGTCATCAGCT
CGCGTTGATTACGTCCCTGCCCTTTGTACACACCGCCCGTCGCTCCTACCGATTGAAT
GGTCCGGTGAAATCCTCGGAGCCGTGGCCTCTACGCAATCTGGGCAACCGGGTTGTG
AGGTCAACGGTACATGCGCAAGTGTGTGCCTATTTGGCGGCAAAGTCGA