

>ATCC protozoology - ATCC 50670 - A. sp. 17 Strain (A. gigantea): 25-349-MX

CTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAAGATTAAGCCATGCATGTCTA
AGTATAAGCTTGTTTATACGGCGAGACTGCGGATGGCTCATTAAATCAGTTATAGTT
TATTTGATGGTCTCTTTTGTCTTTTTTTACCTACTTGGATAACCGTGGTAATTCTAGAG
CTAATACATGCGCAAGGTCCCAGCGCGGGGGGCGGGGCTTCACGGCCCCGTCCTC
GCATGCGCAGAGGGATGTATTTATTAGGTAAAAACCAGCAGCCGGAACGGCTTC
AACTCCTGGTGATTCATAGTAACTCTTTCGGATCGCATTTCATGTCCTCCTTGTGGGGA
CGGCGACGATTCATTCAAATTTCTGCCCTATCAACTTTCGATGGTAGGATAGAGGCC
TACCATGGTCGTAACGGGTAACGGAGAATTAGGGTTCGATTCCGGAGAGGGAGCCT
GAGAAATGGCTACCACTTCTAAGGAAGGCAGCAGGCGCGCAAATTACCCAATCCCG
ACACGGGGAGGTAGTGACAATAAATAACAATACAGGCGCTCGATAAGAGTCTTGTA
ATTGGAATGAGTACAATTTAAACCCCTTAACGAGTAACAATTGGAGGGCAAGTCTG
GTGCCAGCAGCCGCGGTAATTCCAGCTCCAATAGCGTATATTAAGTTGTTGCAGTT
AAAAAGCTCGTAGTTGGATCTAGGGACGCGCATTTCAGCGCCCCGTGCCGTCGGGTC
AAACCGGCGGCTGCGTTGGCGTTGCGGGCTCGGTCCGTCGGTGCCCCACAAAGGGCT
ATCGGCGTGTCAACCGGCCCGCCCGTCCCTCCTTCTGGATTCCCGTTCCTGCTATTG
AGTTAGTGGGGACGTCACAGGGGGCTCATCGTCGTCGTCGCAAACGGCGGGCGGTGGG
TCCCTGGGGCCCAGATCGTTTACCGTGAAAAAATTAGAGTGTTCAAAGCAGGCAGAT
CCAATTTTCTGCCACCGAATACATTAGCATGGGATAATGGAATAGGACCCTGTCCCTC
CTATTTTCAGTTGGTTTTGGCAGCGCGAGGACTAGGGTAATGATTAATAGGGATAGT
TGGGGGCATTAATATTTAATTGTCAGAGGTGAAATTCTTGGATTTATGAAAGATTAA
CTTCTGCGAAAGCATCTGCCAAGGATGTTTTCATTAATCAAGAACGAAAGTTAGGGG
ATCGAAGACGATCAGATAACCGTCGTAGTCTTAACCATAAACGATGCCGACCAGCGA
TTAGGAGACGTTGAATACAAAACACCACCATCGGTGCGGTCGTCCTTGGCGTCGGTC
TTTCGGGGCCGGCGCGGGGACGGCTTAGCCCCGGTGGCACCGGTGAATGACTCCCCTA
GCAGCTTGTGAGAAATCATAAGTCTTTGGGTTCCGGGGGGAGTATGGTCGCAAGGCT
GAAACTTAAAGGAATTGACGGAAGGGCACACCAGGAGTGGAGCCTGCGGCTTAAT
TTGACTCAACACGGGGAAACTTACCAGGTCCGGACATAGTAAGGATTGACAGATTG
ATAGCTCTTTCTTGATTCTATGGGTGGTGGTGCATGGCCGTTCTTAGTTGGTGGAGTG
ATTTGTCTGGTTAATTCCGTTAACGAACGAGACCTTAACCTGCTAAATATGCCGCGC
TAACCCGTCCATCAAACCCACGCGCGGCTCACGCGGTCCGCTGCGGGGTGGTGTGCG
CTTCGCGGCGACGTCATCCC GCCGGCAGGGCCCCGGGTCCGTTGTGGGCGGTAGGGTTC
GGCGTCCGTGCTTCTTAGAGGGACTGCTGCGCGCCTAGCCAGCGGAAGTTTGAGGCA
ATAACAGGTCTGTGATGCCCTTAGATGTTCTGGGCCGACGCGCGCTACACTGATTA
ATCCAACGAGTCCGCTTCAATCGAGGCGCGATGCCGTGCGGGGTCAAACCCGCACT
GCGTCGCTGTCCTCGATCGCGCCTGGGCCGATAGGTCCGGGTAATCTTTGCAAATTT
AATCGTGCTGGGGATAGATCATTGTAATTATTGATCTTCAACGAGGAATTCCTAGTA
AGCGCGAGTCATCAGCTCGCGTTGATTACGTCCCTTGCCCTTTGTACACACCGCCCGT
CGCTCCTACCGATTGAATGGTCCGGTGAAATCCTCGGAGCCGTGGCCTCTACGCAAT
CC